

QMass 8.1

Manual de usuario

Contenido

QMass 8.1	1
Manual de usuario	1
Primeros pasos	1
1. Inicio de QMass	1
2. Entorno de trabajo de QMass.....	4
3. Realización de un análisis de la función del ventrículo izquierdo.....	5
4. Realización de un análisis QStrain	7
5. Realización de un análisis ampliado de la función del ventrículo izquierdo.....	7
8. Análisis de T2w	9
9. Análisis de DSI	12
10. Análisis de T2w-DSI combinado.....	14
11. Análisis de TSI	15
12. Análisis de T1	18
13. Análisis de T2/T2*	21
14. Finalización de un análisis en QMass	25
Precisión de las mediciones	26
Solución de problemas	32
Teclas de función	33
Teclas de acceso directo	34
Referencias	39

1. Inicio de QMass

QMass se inicia desde Medis Suite.



Para ver una descripción detallada de cómo iniciar las aplicaciones y cargar datos en estas, consulte el Manual del usuario o el Manual de inicio rápido de Medis Suite.

Es posible cargar datos en QMass mediante la función "arrastrar y soltar". El comportamiento de carga de QMass será uno u otro en función de las teclas modificadoras que pulse durante la acción de arrastrar y soltar:

Arrastrar y soltar	Los datos se añaden a la sesión actual; el sistema define la primera serie como serie activa.
Arrastrar y soltar+Mayús	Los datos se añaden; la serie activa en ese momento continúa siendo la serie activa.
Arrastrar y soltar+Ctrl	Los datos actuales se cierran y se cargan los nuevos datos; el sistema define la primera serie como serie activa.

Para cargar contornos locales existentes

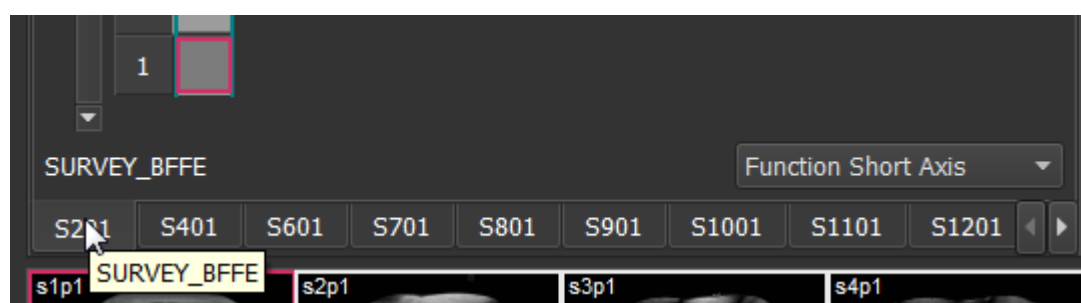
- Haga clic en Menú  y seleccione **Archivo > Load Contours ... (Cargar contornos ...)**

Seleccione el archivo correspondiente al análisis de QMass que le interesa.

Para seleccionar una serie

- Si tiene abiertas varias series, puede cambiar de una serie a otra; para hacerlo, pulse la pestaña correspondiente bajo la matriz del estudio.

Mueva el ratón sobre una pestaña para ver un cuadro de información con el nombre de la serie.




Para desplazarse por las imágenes de una serie

- Utilice las teclas de flecha de su teclado para desplazarse por las imágenes en la Vista en miniatura y en la Vista activa.

Para seleccionar una imagen

- En la vista en miniatura, haga clic en una imagen para seleccionarla.
A continuación, la imagen seleccionada se presenta en la Vista activa.
En la Vista en miniatura, la imagen seleccionada se resalta mediante un fotograma de color rojo.

Para ver una serie en la ventana Película

- Haga clic en  en la barra de herramientas o pulse la tecla F5.


Para desplazarse por las imágenes de la serie en la ventana Película

- Utilice las teclas de flecha del teclado.

Para cambiar de una serie a otra en la ventana Película

- Pulse la tecla Re Pág o Av Pág del teclado.

Para aumentar o reducir una imagen

- Utilice el regulador situado bajo el área de visualización o defina el modo de edición en Modo zoom  y use el botón izquierdo del ratón para aumentar o reducir la imagen.

Para panoramizar una imagen

- Pulse y mantenga pulsado el botón central o la rueda del ratón y arrastre.
Así se panoramiza la imagen.
Para volver al modo de edición, suelte el botón central o la rueda del ratón.

Para ajustar el ancho de ventana y nivel

- Pulse 2 en el teclado para optimizar el ancho de ventana y nivel.

O bien:


- En la Vista activa, haga clic con el botón derecho del ratón y arrastre. Mueva el ratón hacia la izquierda o hacia la derecha para ajustar el ancho de ventana; muévelo arriba o abajo para ajustar el nivel de ventana.

Para cargar una serie para un análisis de comparación

- Haga clic en Menú  y seleccione **Archivo > Abrir selección de serie ...**


Seleccione la serie que le interesa, active la casilla Comparación y cargue los datos.

Para cambiar los ajustes de Autocombinar

- Haga clic en Menú  y seleccione **Archivo > Abrir selección de serie ...**

Active o desactive la casilla Autocombinar. Seleccione varias series para crear una nueva serie combinada.

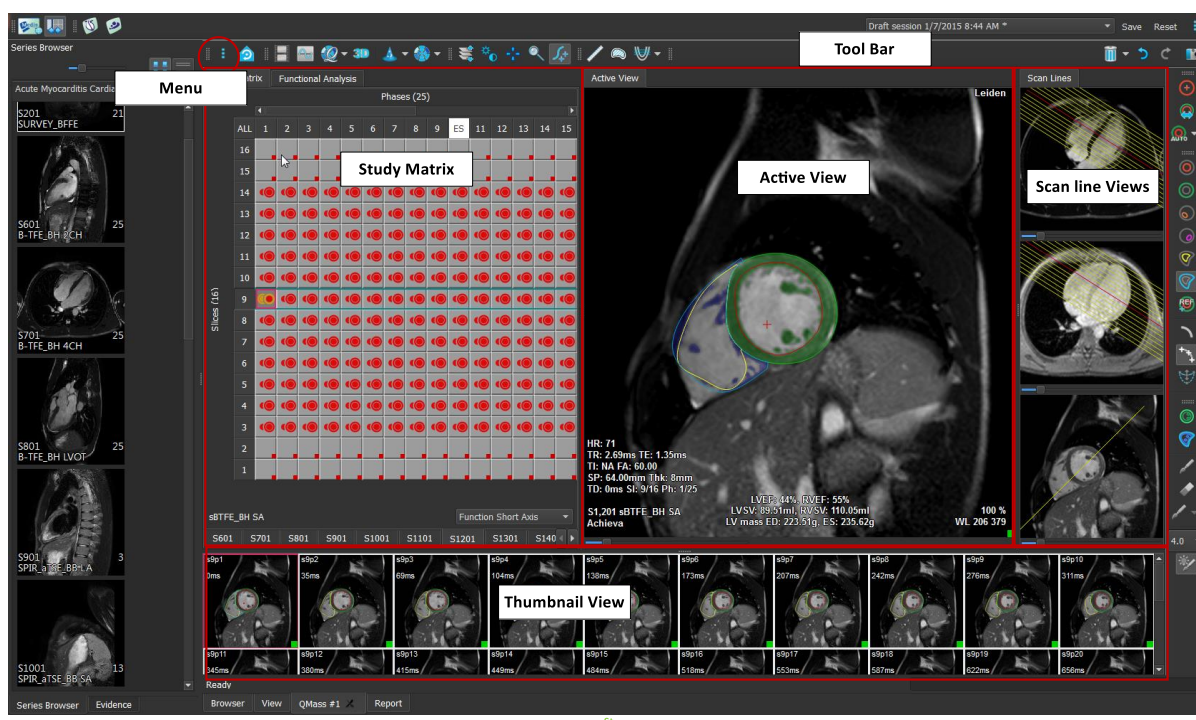
Para crear una instantánea de un gráfico o área de visualización

- Haga clic en  en la barra de herramientas del cuadro de diálogo.

2. Entorno de trabajo de QMass

El entorno de trabajo principal de QMass está compuesto por una serie de barras de herramientas, una matriz de estudio y tres vistas. Los iconos activos en las barras de herramientas son unos u otros en función del tipo de estudio que se está analizando y la orientación de este.

Las vistas de líneas de escaneado presentan la posición de corte de la serie seleccionada. En las dos primeras vistas, puede cambiar a otra serie; para hacerlo, haga clic con el botón derecho del ratón y seleccione la nueva serie que desee. Además, también es posible panoramizar la imagen y aumentarla o reducirla mediante los reguladores.



En este paseo rápido, conocerá las principales funciones y el flujo de trabajo básico de QMass. Abrirá y revisará un estudio, realizará un análisis de la función del ventrículo izquierdo y verá los resultados de análisis.

Asimismo, encontrará instrucciones sobre cómo realizar análisis de realce tardío y análisis de perfusión de primer paso en las últimas dos secciones de este Manual de inicio rápido.

3. Realización de un análisis de la función del ventrículo izquierdo

Ahora que ya hemos revisado las series, vamos a realizar un análisis de la función del ventrículo izquierdo (LV por sus siglas en inglés) mediante el Asistente de análisis ventricular. QMass integra diversos asistentes cuya finalidad es ofrecerle un flujo de trabajo guiado que le ayude a realizar el análisis correspondiente rápida y fácilmente. El Asistente de análisis ventricular consta de cuatro pasos:

- Selección de la serie de eje largo y la serie de eje corto y colocación de los marcadores de válvula y ápice en la fase diastólica final (ED por sus siglas en inglés) de la serie de eje largo
- Colocación de los marcadores en la fase sistólica final (ES por sus siglas en inglés) de la serie de eje largo y selección del tipo de contornos que se debe detectar.
- Revisión de los contornos detectados
- Revisión de los resultados.



El Asistente de análisis ventricular solo está disponible si el estudio incluye imágenes de película de cine tanto de eje largo como de eje corto. Si no dispone de imágenes de eje largo, tiene la opción de realizar el análisis mediante la función de detección automática estándar. Consulte el Manual del usuario de QMass para obtener instrucciones.



Los contornos, tanto los detectados automáticamente como los creados manualmente, pueden dar lugar a resultados incorrectos. Asegúrese de revisarlos y, si es necesario, de corregirlos.

Para realizar un análisis de la función del LV con el Asistente de análisis ventricular

1. En la matriz del estudio, seleccione las pestañas de las distintas series y verifique para cada serie si se ha configurado el tipo de estudio correcto.

En caso necesario, puede corregir la etiqueta de una serie; para hacerlo, haga clic con el botón derecho del ratón en la pestaña de la serie y seleccione la etiqueta correcta en el menú.

2. Seleccione **Análisis > Asistente de análisis ventricular**.

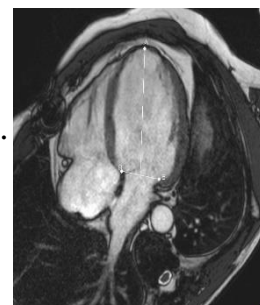
3. En **Selección de serie**, en la lista desplegable **Series LAX**, seleccione la serie de eje largo que desea utilizar como referencia para especificar la ubicación de la válvula mitral y el ápice.

Si ha cargado una exploración radial de eje largo, puede seleccionar el corte de eje largo que desea utilizar en el campo **Corte LAX**.

En la lista desplegable **Serie SAX**, seleccione la serie de cine de eje corto que desea analizar. En **Fase ED**, compruebe que la fase presentada como Fase ED LV es correcta.


En la vista activa, seleccione los marcadores de la serie de eje largo y arrástrelos a la posición correcta. Coloque el marcador A sobre el ápice y los marcadores B sobre las válvulas mitrales.

Haga clic en **Siguiente**.





4. En **Fase ES**, compruebe la fase. En la Vista activa, coloque los marcadores A y B del modo descrito en el paso anterior.

En **Selección de contorno**, seleccione el tipo de contornos que desea que se detecte en las imágenes de eje corto.

 Si desea calcular las tasas de eyección y de llenado máximas, deje seleccionada la opción **Todos** en el cuadro **Endo VI**. Haga clic en **Siguiente**.

5. Una vez finalizada la detección automática de contornos, revise los contornos detectados. Revise tanto la fase ED como la fase ES; para ello, seleccione el icono **Ver** correspondiente.

 A fin de garantizar la exactitud de los resultados del análisis, es preciso revisar todos los contornos detectados automáticamente y, en caso necesario, editarlos.

 Para ver una vista general de todos los contornos detectados, puede cambiar a la pestaña **Matriz del estudio**.

Para editar un contorno, haga clic en  o  y comience la edición.


 Para obtener instrucciones de edición detalladas, consulte el Manual del usuario de QMass.


Para alternar la visualización de las fases ED y ES en la vista en miniatura, haga clic en el botón **Ver** correspondiente del asistente.


Para cambiar la fase ED o ES y volver a detectar automáticamente los contornos, en **Redetectar contornos**, en el paso 3 del asistente, seleccione un nuevo número de fase y haga clic en **Aplicar**.



Para excluir o incluir imágenes individuales, haga clic en el cuadrado de color verde o rojo en la esquina inferior derecha de cada imagen de la vista en miniatura. Esto excluye o incluye la imagen correspondiente en la detección de contornos.

Haga clic en **Siguiente**.

6. Para obtener resultados de análisis regionales, asegúrese de que ha seleccionado  y, a continuación, haga clic en la vista activa para marcar el septo posterior o anterior en el corte actual. Repita esta operación para los demás cortes que esté analizando.

 Si coloca el punto de referencia en el septo anterior, asegúrese de cambiar antes los ajustes de ojo de buey, para que los segmentos cardíacos se etiqueten correctamente.

Seleccione Menú  > **Ajustes > Ojo de buey...** En la pestaña **Pantalla**, en **Ubicación de punto de referencia**, seleccione **Anterior** y haga clic en **Aceptar**.


7. Haga clic en  para ver los resultados del análisis. Haga clic en  para ver los resultados de análisis regionales.

Para guardar los contornos que ha creado, seleccione Menú  > **Archivo > Guardar** en la barra del menú.

8. Haga clic en **Hecho** para cerrar el asistente.

4. Realización de un análisis QStrain

Ahora que ya tenemos los resultados del análisis funcional, podemos iniciar un análisis QStrain.

- Haga clic en  para iniciar el análisis QStrain.

 Todos los datos y todos los contornos se aportan como información para el análisis QStrain.

 No es estrictamente necesario disponer de contornos para iniciar un análisis QStrain.

5. Realización de un análisis ampliado de la función del ventrículo izquierdo

La casilla MassK (segmentación de sangre y músculo) de Análisis funcional ofrece un método alternativo para determinar los volúmenes sanguíneo y muscular para el análisis funcional, además del volumen del músculo papilar.

Mediante el uso del regulador de umbral es posible determinar un umbral que distinga la sangre del músculo en las cavidades del corazón tanto ventricular derecha como ventricular izquierda. El umbral puede copiarse en otros cortes u otras fases.

Para realizar un análisis funcional mediante el modo MassK

1. Seleccione la pestaña **Análisis funcional** y marque la casilla **MassK**.
2. Dibuje los contornos epicárdicos en todos los cortes y fases.
3. Dibuje los contornos endocárdicos en caso de que necesite distinguir entre volumen papilar y volumen miocárdico.
4. Arrastre el regulador de los umbrales del LV o el RV para modificar la clasificación de sangre y músculo.
5. En la barra de herramientas, haga clic en el botón, “**Editar tejido papilar VI**” para añadir o eliminar manualmente tejido muscular.
6. Vea los resultados en el gráfico Volumen en la **Pestaña Análisis Funcional**

O bien:

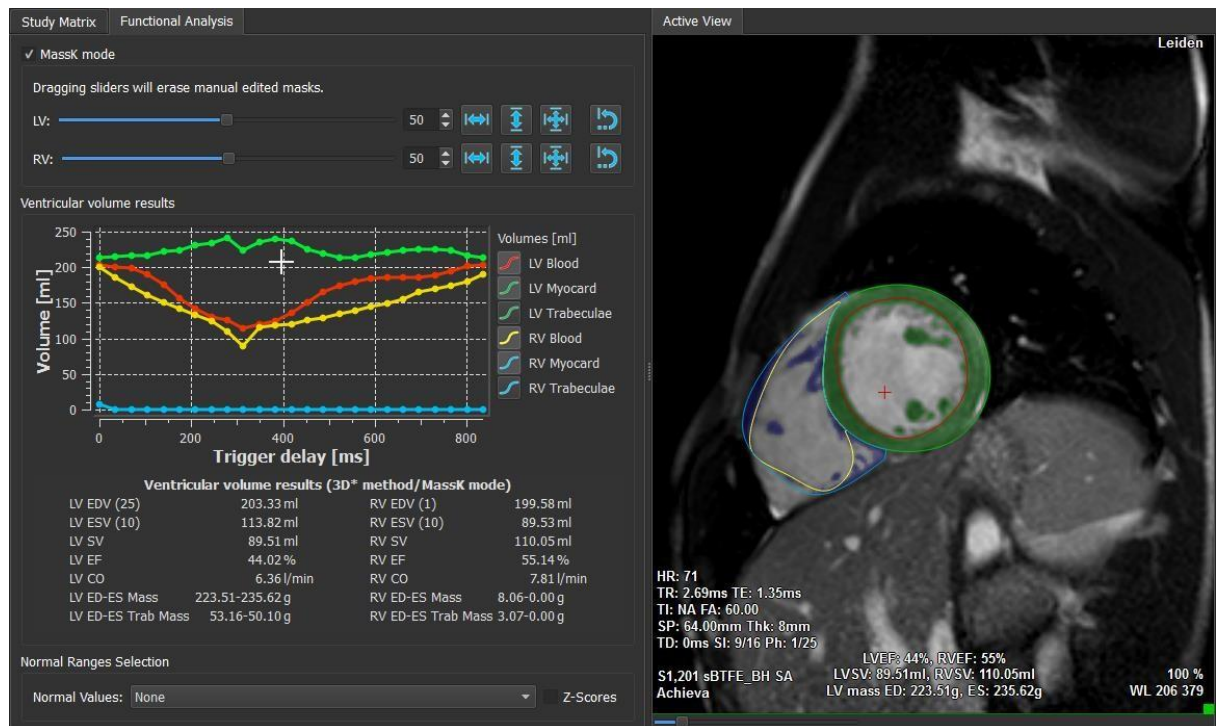
Vea los resultados en los paneles Resultados o Informe de Medis Suite.



En modo MassK depende de los contornos epicárdicos. Revise siempre todos los contornos epicárdicos para asegurarse de que están disponible y son correctos.



En caso de que todos los resultados derivados (Fracción de eyección, Volumen sistólico y Gasto cardíaco) sean cero, compruebe si todos los contornos epicárdicos están



6. Análisis de T2w

El análisis de T2 ponderado (T2w) le ayuda a determinar la cantidad de volumen de intensidad de señal T2w alta en el miocardio que se ha aplicado ampliamente en la adquisición de imágenes de edema en diversas enfermedades miocárdicas.

En este capítulo se explica cómo realizar un análisis mediante el método Análisis de T2w.

Realización de un análisis de T2w

QMass ofrece la opción de realizar un análisis de T2w. Se trata de una sencilla herramienta de análisis que consta de una sola página. Los pasos de este análisis son:

- Creación de los contornos endocárdicos y epicárdicos del VI
- Detección y verificación de las áreas de intensidad de la señal alta y baja en el miocardio.
- Comprobación del umbral y la segmentación de T2


Para realizar un análisis de T2w

1. Cargue un conjunto de datos de T2w en QMass.





Consulte además, Transferencia de contornos de una serie de cine de eje corto.

2. Seleccione la serie que desea analizar.


3. Inicie el **Asistente de análisis de T2w**; para hacerlo, pulse junto a  y seleccione







Asistente de análisis de T2w.


- En el asistente, haga clic en  y dibuje los contornos endocárdicos del LV en cada corte de la serie presentada en la Vista activa. Del mismo modo, haga clic en  y dibuje los contornos epicárdicos del VI en cada corte de la serie.



 Consulte además, Transferencia de contornos de una serie de cine de eje corto.



- Haga clic en Detectar  y compruebe si el contorno de la región de interés 1 (ROI1) se ha detectado en la parte del miocardio con una intensidad de señal baja y si el contorno de la región de interés 2 (ROI2) se ha detectado en la parte del miocardio con una intensidad de señal alta. En caso necesario, puede editar los contornos o pulsar el botón Detectar para volver a detectarlos.
- Compruebe el umbral de T2w mediante la revisión de la segmentación de las intensidades altas en todos los cortes. Si lo desea, puede anular el umbral calculado; para hacerlo, arrastre el regulador situado bajo **Umbral de intensidad**.


 También puede copiar en otros cortes un valor de umbral definido manualmente;

para hacerlo, seleccione **Copiar en todos los números de corte** , **Copiar en números de corte más bajos**  o **Copiar en números de corte más altos** .



 Puede calcular otro valor de umbral basado en el área del contorno de intensidad baja; para hacerlo, especifique el método de cálculo **Desviación estándar** y facilite un valor de desviación estándar.


Haga clic en  para dibujar áreas con tejido de intensidad alta. Para comenzar a borrar píxeles, haga clic en .

 Para ocultar las máscaras, anule la selección de **Menú**  > **Ajustes** > **Ajustes principales** > **Pantalla** > **máscaras**.



 Puede ver los resultados en el panel T2w o en los paneles Resultados o Informe de Medis Suite.

Para realizar una medición de relación T2

- Utilice el icono de ROI  para determinar un área de la región miocárdica dibujando el contorno correspondiente.
- Utilice el icono de ROI  para determinar el músculo esquelético dibujando el contorno correspondiente.
- A partir de esas dos ROI, el sistema calcula las intensidades de señal media, mínima y máxima y las utiliza para calcular la relación T2 entre las dos regiones definidas.

 El valor de la relación T2 se puede ver en el panel Informe.

Transferencia de contornos de una serie de cine de eje corto

Si en la serie de cine de eje corto ya hay contornos disponibles, haga clic en  para cargar esta serie y transferir los contornos incluidos en ella a la serie de T2w . La transferencia de contornos funciona mejor si ha creado manualmente los contornos en la fase de la serie de cine de eje corto en la que se exploró la serie de T2w.

7. Analisis de DSI

El análisis de intensidad de señal retrasada (DSI) puede ayudarle a determinar el tamaño de infarto, así como el grado de transmuralidad de este, que parece delinear el miocardio viable y no viable y la recuperación de la función después de la revascularización.



Para leer más sobre este tema, consulte el siguiente artículo: *Gibbons, Raymond J., et al. "The quantification of infarct size." Journal of the American College of Cardiology 44.8 (2004): 1533- 1542.*

El Asistente de análisis de DSI consta de cuatro pasos:

- Creación de los contornos endocárdicos y epicárdicos del VI
- Verificación de las áreas de miocardio sano e hiperintenso
- Comprobación del umbral y la segmentación de DSI
- Colocación de un punto de referencia y definición del umbral de transmuralidad.

Para realizar un análisis de DSI

1. Cargue un conjunto de datos de DSI en QMass.





Consulte además, Transferencia de contornos de una serie de cine de eje corto.

2. Seleccione la serie de DSI que desea analizar.

3. Inicie el **Asistente de análisis de DSI**; para hacerlo, pulse junto a  y seleccione




Asistente de análisis de DSI.

4. En el asistente, haga clic en  y dibuje los contornos endocárdicos del VI en cada corte de la serie presentada en la Vista activa. Del mismo modo, haga clic en  y dibuje los contornos epicárdicos del VI en cada corte de la serie.





Consulte además, Transferencia de contornos de una serie de cine de eje corto.


5. Haga clic en **Detectar**  y compruebe si el contorno de la región de ROI1 se ha detectado en la parte del miocardio sano y si el contorno de ROI2 se ha detectado en la parte del miocardio hiperintenso. En caso necesario, puede editar los contornos o pulsar el botón **Detectar** para volver a detectarlos. El umbral de hiperrealce de DSI también se calcula al pulsar el botón **Detectar**.








El valor de umbral calculado se copia automáticamente en todos los demás cortes si se ha seleccionado la opción **Autocopiar**. Si utiliza el botón **Aplicar** sin seleccionar la opción **Autocopiar**, los contornos y el valor de umbral de las ROI se determinan solo para el corte actual. En tal caso, repita esta acción para cada corte de forma individual.


6. Compruebe el umbral de DSI mediante la revisión de la segmentación de tamaño de infarto en todos los cortes. Si lo desea, puede anular el umbral calculado; para hacerlo, arrastre el regulador situado bajo **Umbral de intensidad**.



Haga clic en  y  para dibujar áreas con hiporrealces.


Para comenzar a borrar píxeles, haga clic en .


 También puede copiar en otros cortes un valor de umbral definido manualmente; para hacerlo, seleccione **Copiar en todos los números de corte** , **Copiar en números de corte más bajos**  o **Copiar en números de corte más altos** .


 Puede calcular otro valor de umbral basado en el área del contorno de miocardio sano; para hacerlo, especifique un método de cálculo.


 Puede aumentar el tamaño de la punta del pincel o el borrador; para hacerlo, aumente el valor del campo **Draw size (Tamaño de trazo)**.


 Seleccione **Smart brush (Pincel inteligente)** o haga clic en  en la barra de herramientas si desea editar la máscara actual sin sobrescribir ni borrar otras máscaras.


 También puede ocultar las máscaras; para hacerlo, anule la selección de **Mostrar máscaras**.



7. Defina un punto de referencia. Para colocar un punto de referencia, haga clic en  y defina un punto de referencia en la vista activa, en el extremo inferior o anterior del septo interventricular.


 Asegúrese de definir un punto de referencia en cada uno de los cortes que esté analizando.

 Si coloca el punto de referencia en el septo anterior, asegúrese de cambiar antes los ajustes de ojo de buey, para que los segmentos cardíacos se etiqueten correctamente.

Seleccione Menú  > **Ajustes > Ojo de buey...** En la pestaña **Pantalla**, en **Ubicación de punto de referencia**, seleccione **Anterior**.


 Si quiere cambiar el umbral de transmuralidad predeterminado del 50 %, puede hacerlo en el campo **Umbral de transmuralidad**.

 Haga clic en  para abrir la ventana Ojo de buey. También puede seleccionar el diagrama que desee en la lista desplegable **Mostrar**. Haga clic con el botón derecho del ratón en la ventana para acceder a las opciones para guardar el diagrama y añadirlo a los resultados.

 Puede ver los resultados en el panel DSI o en los paneles Resultados o Informe de Medis Suite.

Transferencia de contornos de una serie de cine de eje corto

Si en la serie de cine de eje corto ya hay contornos disponibles, haga clic en  para cargar esta

serie y transferir los contornos incluidos en ella a la serie de DSI . La transferencia de contornos funciona mejor si ha creado manualmente los contornos en la fase de la serie de cine de eje corto en la que se exploró la serie de DSI.

8. Análisis de T2w-DSI combinado

El análisis de T2w-DSI combinado le permite determinar el índice y la diferencia entre los resultados de los análisis de T2w y de DSI.



En este capítulo se explica cómo realizar un análisis de T2w-DSI.


Realización de un análisis de T2w-DSI


QMass ofrece la opción de realizar un análisis de T2w-DSI. Se trata de una sencilla herramienta de análisis. Los pasos de este análisis son:

- Carga y creación de los contornos endocárdicos y epicárdicos del LV en las series tanto de T2w como de DSI.
- Realización de un análisis de T2w y DSI en los conjuntos de datos correspondientes.

Para realizar un análisis de T2w-DSI

1. Cargue sendos conjuntos de datos de DSI y T2w en QMass.
2. Inicie el **Asistente de análisis de T2w-DSI**; para hacerlo, pulse junto a  y seleccione  **T2w-DSI combinados**.
3. Lleve a cabo el análisis de DSI en el conjunto de datos de DSI.
4. Lleve a cabo el análisis de T2w en el conjunto de datos de T2w.

 Puede ver los resultados en los paneles DSI, T2w y T2w-DSI combinados o en los paneles Resultados o Informe de Medis Suite.






 En el análisis de T2w-DSI combinado, siempre se considera que el volumen de T2w alto es mayor o igual que el volumen de infarto. Si el infarto es mayor en volumen que el volumen de T2w alto, el sistema redondea el volumen y los cálculos a cero en lugar de mostrar los valores negativos.

9. Análisis de TSI




En QMass, es posible realizar un análisis de perfusión de primer paso, denominado análisis de intensidad de señal de tiempo (TSI). Para realizar este análisis, es preciso seguir los pasos siguientes:

- Dibujo de los contornos endocárdicos y epicárdicos
- Colocación de puntos de referencia
- Registro de los contornos


Para dibujar los contornos endocárdicos y epicárdicos


1. Cargue un conjunto de datos de TSI en QMass.
2. Seleccione la serie de TSI que desea analizar y haga clic en **Aceptar**.
3. Si no aparece la barra de herramientas Intensidad de señal de tiempo con el icono  seleccione la pestaña Matriz del estudio y compruebe si la serie está correctamente etiquetada. Para comprobarlo, haga clic con el botón derecho del ratón en la pestaña de la serie.
4. En la Vista en miniatura, seleccione una imagen que presente un nivel de contraste suficiente tanto en el ventrículo izquierdo como en el derecho.
5. De forma predeterminada, el modo de dibujo está definido en modo trazo. Para dibujar en modo punto, haga clic en .
6. En la Vista activa, dibuje el contorno endocárdico y, a continuación, haga clic en  y dibuje el contorno epicárdico.
 Asegúrese de dibujar contornos endocárdicos correctos que excluyan la acumulación de sangre del LV y el RV para evitar que la señal de intensidad alta de esta afecte a los resultados.
7. Si desea analizar la intensidad de la señal en relación con el tiempo en una región de interés, haga clic en . En la vista activa, dibuje un contorno alrededor de la región de interés (ROI).

Si desea comparar unas ROI con otras, haga clic en uno de los iconos de las otras ROI,

, , o  y dibuje el contorno o los contornos correspondientes en la Vista activa.


Para colocar puntos de referencia


1. Haga clic en .
2. En la Vista Activa, coloque un punto de referencia en el punto de unión inferior o anterior de los ventrículos izquierdo y derecho.

 Si coloca el punto de referencia en el septo anterior, asegúrese de cambiar antes los ajustes de ojo de buey, para que los segmentos cardíacos se etiqueten correctamente.



Seleccione Menú > **Ajustes** > **Ojo de buey...** En la pestaña **Pantalla**, en **Ubicación de punto de referencia**, seleccione **Anterior** y haga clic en **Aceptar**.

Para registrar contornos

1. Si ha dibujado una o varias ROI, seleccione el elemento o los elementos de menú correspondientes en el menú secundario Registro. Haga clic en la flecha situada junto al icono  y, a continuación, seleccione **Registrar contornos de ROI1** y las demás opciones de menú que correspondan.


2. Haga clic en .

Esta acción copia los contornos seleccionados en las demás imágenes del corte y aplica una corrección de movimiento respiratorio.


 El sistema ejecuta la función de registro de contornos en función de los ajustes de registro de contornos definidos. Para acceder a estos ajustes y modificarlos, seleccione, **Menú** , **Ajustes > Ajustes de registro**

3. Compruebe los contornos en la Vista de miniaturas o en la Herramienta de película para ver si es necesario corregir el posicionamiento automático de los contornos.


Para mover un conjunto de contornos a otra posición, pulse Mayús+Ctrl y arrastre los contornos a la nueva posición.

 **No** edite los contornos con las herramientas de dibujo. Si desea añadir nuevas ROI después de haber realizado el registro, asegúrese de crear los contornos de las nuevas ROI en la misma imagen en la que creó los contornos iniciales.

Para ver los resultados del análisis de TSI


1. Haga clic en  para ver los resultados de análisis en un gráfico.
2. En la lista desplegable **Mostrar**, seleccione el gráfico **Intensidad Myo - Tiempo** o **Intensidad de ROI - Tiempo**.


O bien:

1. Haga clic en  para ver los resultados de análisis en un diagrama de ojo de buey.
2. En la lista desplegable **Mostrar**, seleccione **Análisis de SI**.

Esta acción añade una lista desplegable a la ventana.

3. Seleccione el tipo de diagrama que desea ver.

 Para obtener una descripción detallada de los diagramas de ojo de buey, consulte el Manual del usuario.

 Haga clic con el botón derecho del ratón y seleccione "Añadir instantánea a resultados" para añadir la instantánea del gráfico al informe.

 Puede ver los resultados en los paneles Resultados o Informe de Medis Suite.

10. Análisis de T1

Si dispone del módulo de análisis de T1, puede utilizar QMass para analizar el tiempo de relajación T1 de una región de interés.

En este capítulo se explica cómo:

- Realización de un análisis de T1

El análisis de T1 determina la velocidad de recuperación de magnetización de una región de interés.

Para realizar un análisis de T1

- Cargue un conjunto de datos de T1 en QMass.
- Seleccione la serie de T1 que desea analizar.




En la matriz del estudio, haga clic con el botón derecho del ratón en la pestaña de la serie y compruebe que la serie está correctamente etiquetada como una serie de T1. En caso necesario, puede cambiar la etiqueta de la serie en el menú secundario.

- Seleccione la pestaña Análisis T1.
- En la vista en miniatura, seleccione una imagen que presente un nivel de contraste suficiente.
- Seleccione la herramienta de dibujo de su preferencia y dibuje el contorno endocárdico.




Asegúrese de excluir la acumulación de sangre del LV, para evitar que la señal de intensidad alta de esta afecte a los resultados.

- Haga clic en  y dibuje el contorno epicárdico.



Asegúrese de excluir la acumulación de sangre del LV, para evitar que la señal de intensidad alta de esta afecte a los resultados.

- Marque una o varias regiones de interés en el septo. Seleccione un icono de región de interés, por ejemplo, , y dibuje una región de interés en el miocardio.



Puede anular la selección de **Autocopiar** en **Contornos** para impedir que los contornos de las regiones de interés se copien en las demás imágenes.

- Ahora, la pestaña Análisis presenta dos curvas por cada región de interés: la curva de los valores medidos, del mismo color que la región de interés correspondiente, y la curva ajustada, en forma de línea de puntos.
- El cuadro "Tiempo [ms]" indica el tiempo de recuperación de T1.



Puede hacer clic en los iconos que figuran en el cuadro "Tiempo [ms]" para mostrar u ocultar las diversas regiones de interés.




También puede seleccionar y mostrar las superposiciones T1, T1* o Residual; para hacerlo, seleccione un valor de **Superposición** en el cuadro de selección desplegable.



Puede seleccionar el Tipo de adquisición: Look-Locker (LL), que muestra los resultados T1*, T1 o t0, o Saturación progresiva (PS), que muestra los resultados T1 y t0.

Resultado	Descripción
T1 (Saturación progresiva)	En los estudios Saturación progresiva, T1 corresponde a la ecuación siguiente: $I = A - B \cdot \text{EXP} (-t/T1)$
T1* (Look-Locker)	En los estudios Look-Locker, T1* corresponde a la ecuación siguiente: $I = A - B \cdot \text{EXP} (-t / T1^*)$
T1 (Look-Locker)	En los estudios Look-Locker, el valor T1 corresponde a la ecuación siguiente: $T1 = T1 \cdot (B / A - 1)$
t0	t0 es el "tiempo de anulación", es decir, el tiempo hasta que la intensidad de señal coincide con el valor cero en el eje horizontal. Es posible determinar aproximadamente el valor t0 a partir del gráfico.

También puede ver la velocidad de recuperación por píxel mediante la función de seguimiento del cursor del ratón. Haga clic en , y a continuación, mantenga el puntero sobre el píxel en la imagen. Verá la velocidad de recuperación del píxel actual.




Para obtener información sobre el mapeo de T1 en los estudios Look-Locker, consulte el siguiente artículo: Daniel R. Messroghli et al, Modified Look-Locker Inversion Recovery (MOLLI) for High-Resolution T₁ mapping of the Heart, Magnetic Resonance in Medicine 52: 141-146 (2004).



Puede ver los resultados en el panel T1 o los paneles Resultados o Informe de Medis Suite.

Para definir los ajustes de rango de color y mapa de color

1. Seleccione Menú  > **Ajustes > Ajustes de T1.**

Esta acción abre el cuadro de diálogo Ajustes de T1.


En **Rango de color**, elija el rango de color que prefiera. En **Mapa de color**, elija el mapa de color de superposición que prefiera.



En el editor del archivo de configuración, puede especificar un mapa de color predeterminado.

Para exportar a DICOM los tiempos de relajación por corte



Haga clic en  y el botón "Añadir mapa de parámetros a resultados" .



A continuación, los mapas se presentan automáticamente en la sesión actual de ; es posible seleccionarlos en la matriz del estudio para realizar análisis adicionales.



Para obtener instrucciones sobre cómo seleccionar series, consulte: Inicio de QMass.

11. Análisis de T2/T2*

El análisis de T2/T2* permite determinar los tiempos de relajación de T2/T2*. La cuantificación del tiempo de relajación de T2* ayuda a caracterizar la carga de hierro en el corazón y el hígado.

En este capítulo se explica cómo:

- Realizar un análisis de tiempo de caída de T2 o T2*.

El análisis de tiempo de caída de T2 o T2* consta de dos pasos: en primer lugar, es preciso dibujar un contorno alrededor de la región de interés en el miocardio y, a continuación, se deben excluir de la curva las mediciones desviadas a causa de ruido en la RM.

Para realizar un análisis de T2 o T2*

1. Cargue un conjunto de datos de T2/T2* en QMass.
2. Seleccione la serie de T2/T2* que desea analizar.
- 3.



En la matriz del estudio, haga clic con el botón derecho del ratón en la pestaña de la serie y compruebe que la serie está correctamente etiquetada como una serie de T2/T2*. En caso necesario, puede cambiar la etiqueta de la serie en el menú secundario.

4. Seleccione la pestaña Análisis de T2/T2*.
5. En la vista en miniatura, seleccione una imagen que presente un nivel de contraste suficiente.
6. Seleccione la herramienta de dibujo de su preferencia y dibuje el contorno endocárdico.



Asegúrese de excluir la acumulación de sangre del LV, para evitar que la señal de intensidad alta de esta afecte a los resultados.



7. Haga clic en  y dibuje el contorno epicárdico.



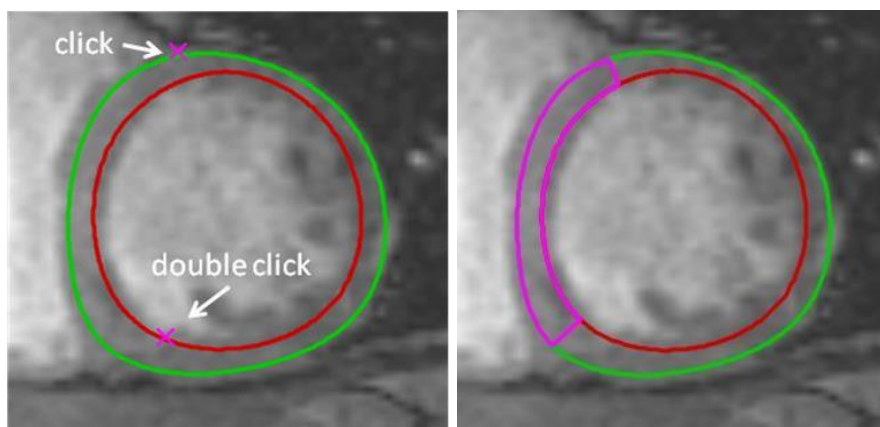
Asegúrese de excluir la acumulación de sangre del LV, para evitar que la señal de intensidad alta de esta afecte a los resultados.

8. Marque una o varias regiones de interés en el septo. Seleccione un icono de región de



interés, por ejemplo, , y seleccione . Haga clic en el contorno epicárdico para marcar el comienzo del segmento septal y, a continuación, haga doble clic en el contorno endocárdico para marcar el final.

De este modo se crea la región de interés. Las ilustraciones que figuran a continuación muestran un ejemplo.



💡 Puede anular la selección de **Autocopiar** en **Contornos** para impedir que los contornos de las regiones de interés se copien en las demás imágenes.

9. Ahora, la pestaña **Análisis de T2/T2*** presenta dos curvas: la curva de los valores medidos, del mismo color que la región de interés correspondiente, y la curva ajustada, en el mismo color, pero más claro y semitransparente.

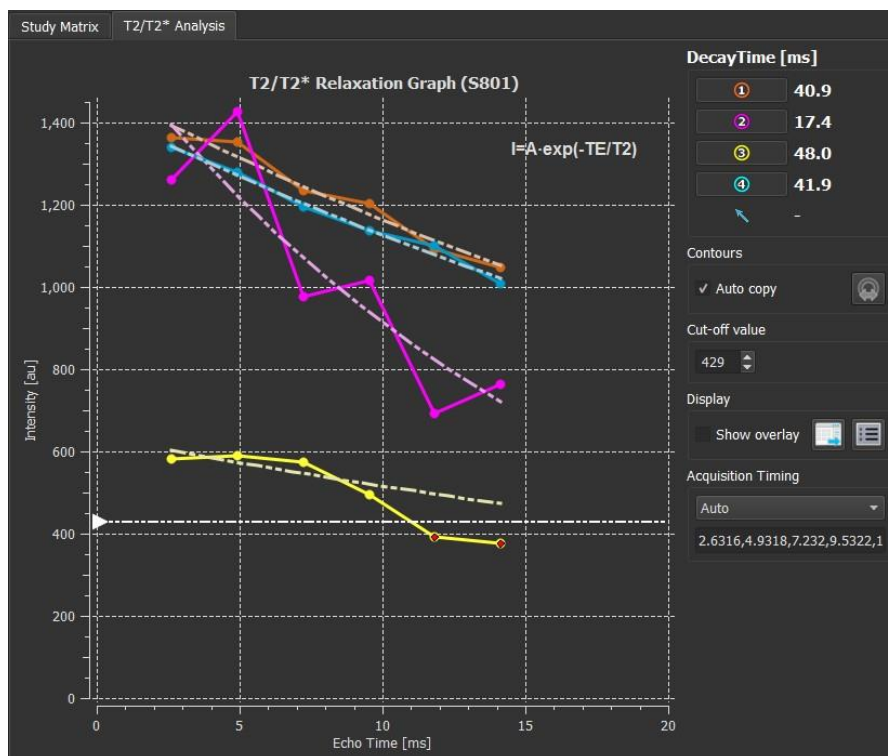
Para eliminar los puntos de medición desviada a causa de ruido en la RM y calcular el valor correcto de T2/T2* de la región de interés, arrastre el regulador de valor de corte hasta el punto en el que la curva empieza a estabilizarse.

⚠ Si la curva asciende en lugar de descender al final, asegúrese de excluir en primer lugar las imágenes correspondientes. Para hacerlo, haga clic en el cuadrado de color verde situado en la esquina inferior derecha de cada imagen en la vista en miniatura.

Seleccione el triángulo de color blanco situado en la parte inferior del diagrama y arrástrelo hacia arriba.

Esta acción marca como excluidos todos los puntos que quedan por debajo del regulador y causa que la curva ajustada corresponda a la parte no excluida de la curva de valores medidos. Asegúrese de que la curva ajustada pasa por los primeros puntos medidos.

La ilustración que figura a continuación ofrece un ejemplo.



10. Definir el momento de la adquisición. Elija "Auto" para usar el tiempo derivado directamente del escáner, o use los tiempos de adquisición configurables, como "T2Prep_4", si los valores no están disponibles en el escáner.



Usando el Editor de archivos de configuración, en la sección Tiempo de adquisición, puede especificar los valores de tiempo. T2Prep_4 es un ejemplo de una configuración de sincronización.




El uso de tiempos de adquisición configurados puede generar resultados incorrectos. Asegúrate de revisarlos y corregirlos si es necesario.


11. Ahora, el cuadro "Tiempo caída" indica el tiempo de caída de T2 o T2*.

Puede hacer clic en los iconos que figuran en el cuadro "Tiempo caída" para mostrar u ocultar las diversas regiones de interés.

También puede mostrar una superposición de color del tiempo de caída; para hacerlo, en **Mostrar superposición** de la opción **Pantalla**.

Resultado	Descripción
T2 o T2*	<p>El resultado corresponde a la ecuación siguiente:</p> $I = A \cdot \text{EXP} (-TE / T2)$ <p>donde TE es el Tiempo de eco en ms y T2 indica T2 en los análisis de T2 o T2* en los análisis de T2*</p>

También puede ver la velocidad de caída por píxel mediante la función de seguimiento del cursor del ratón. Haga clic en  , y a continuación mantenga el puntero sobre la región de interés. Verá la velocidad de caída del píxel actual en la barra de estado situada en la parte inferior de la ventana de QMass.

 Puede ver los resultados en el panel T2/T2* o los paneles Resultados o Informe de MedisSuite.


Para definir los valores predeterminados del valor de corte y los colores de superposición

1. Seleccione Menú  > **Ajustes > Ajustes de T2/T2***.

Esta acción abre el cuadro de diálogo Ajustes de T2/T2*.

En **Mapa de color**, elija el esquema de colores que prefiera.

En **Valor de corte**, especifique el valor predeterminado que debe utilizarse durante la sesión actual.


 En el editor del archivo de configuración, puede especificar un valor de corte predeterminado para todas las sesiones.


Configurar el momento de adquisición

1. Seleccione el momento de adquisición .


En Mapa de colores, elija su combinación de colores preferida.


Después del valor límite, especifique el valor predeterminado que se utilizará durante la sesión actual.


 Usando el Editor de archivos de configuración, en la sección Tiempo de adquisición, puede especificar los valores de tiempo. T2Prep_4 es un ejemplo de configuración de temporización.

 El uso de tiempos de adquisición configurados puede generar resultados incorrectos. Asegúrate de revisarlos y corregirlos si es necesario.

Para exportar a DICOM los tiempos de caída por corte

Haga clic en  y el botón "Añadir mapa de parámetros a resultados".

 A continuación, los mapas se presentan automáticamente en la sesión actual y es posible seleccionarlos en la matriz del estudio para realizar análisis adicionales.

 Para obtener instrucciones sobre cómo seleccionar series, consulte: Inicio de QMass.

12. Finalización de un análisis en QMass

Una vez que haya terminado de realizar el análisis, pulse el botón Guardar sesión en Medis Suite.



Para ver una descripción detallada de cómo finalizar una sesión de Medis Suite, consulte el Manual del usuario o el Manual de inicio rápido de Medis Suite.

Precisión de las mediciones

En QMass, todas las mediciones se derivan de cálculos realizados en las imágenes DICOM cargadas.

Tanto durante el desarrollo como con cada nueva versión del producto, las mediciones y los cálculos se validan ampliamente. La exactitud de las mediciones y los cálculos supera la de los resultados mostrados, al menos en un punto decimal.

En la práctica, la imagen es el factor limitante de la precisión de las mediciones. Los factores limitantes, tales como la resolución de la imagen tanto espacial como temporal, el ruido de la imagen, la falta de homogeneidad en el campo magnético y el paciente determinan la precisión de cualquier medición dada.

La exactitud efectiva de las mediciones se ha evaluado con múltiples estudios de validación. La siguiente tabla muestra la precisión esperada para los diferentes tipos de medición.

Resultados de QMass	Valor común	Unidad	Precisión esperada	Precisión	Justificación de la precisión y fuente aplicable
Resultados del volumen ventricular izquierdo y derecho					
Precisión totalmente dependiente de la entrada manual del usuario	2	m ²	5%	0.01	Accuracy entirely dependent on the manual user input
Es preciso, siempre y cuando los contornos se dibujen correctamente	2			1	Is accurate, as long as the contours are drawn correctly
Es preciso, siempre y cuando los contornos se dibujen correctamente	9			1	Is accurate, as long as the contours are drawn correctly
Depende de la frecuencia de la muestra de adquisición, dada para uno típico de 20 fotogramas/latido del corazón, 60 bpm	39.75	ms	25 ms	0.01	Depends on the acquisition sample frequency, given for a typical 20 frames/heartbeat, 60 bpm
Hora de la fase SF	272.25	ms	25 ms	0.01	
[1] - Depende en gran medida del número de cortes adquiridos. Valor dado para 10	129.43	ml	5%-10%	0.01	[1] - Depends strongly on the acquisition number of slices. Value given for typical 10 slices

cortes normales					
Derivado	64.71	ml/m ²	5%-10%	0.01	- derived
Derivado	71.9	ml/m	5%-10%	0.01	- derived
[1] - Depende en gran medida del número de cortes adquiridos. Valor dado para 10 cortes normales	63.63	ml	5%-10%	0.01	[1] - Depends strongly on the acquisition number of slices. Value given for typical 10 slices
Derivado	31.81	ml/m ²	5%-10%	0.01	- derived
Derivada de la precisión del volumen DF y SF	65.8	ml	8%-15%	0.01	Derived from ED an ES volume accuracy
Derivado	32.9	ml/m ²	8%-15%	0.01	- derived
Derivado del rendimiento cardíaco	4.76	l/min	8%-15%	0.01	Derived from Cardiac output
Derivado	2.38	l/(m ² *min)	8%-15%	0.01	- derived
Derivado del Rendimiento cardíaco y volumen DF	50.84	%	8%-15%	0.01	Derived from Cardiac output and ED volume
Sin embargo, derivada del volumen, la densidad muscular cardíaca no es constante [12]	109.45	g	25%	0.01	Derived from volume, however, cardia muscle density is not a constant [12]
Derivado	54.72	g/m ²	25%	0.01	- derived
Derivado	60.81	g/m	25%	0.01	- derived
Véase masa DF del VI	117.88	g	25%	0.01	See LV mass ED
Derivado	58.94	g/m ²	25%	0.01	- derived
Dinámicas de eyección/llenado					
	Value				
Derivado del volumen, limitado por la frecuencia de adquisición.	535.46	ml/s	10%	0.01	Derived from volume, limited by acquisition frequency.
Derivado	4.14	EDV/s	10%	0.01	- derived
Depende de la frecuencia de la muestra de	66.63	ms	25ms	0.01	Depends on the acquisition sample frequency, given for a

adquisición, dada para uno típico de 20 fotogramas/latido del corazón, 60 bpm					typical 20 frames/ heartbeat, 60 bpm
Es preciso, siempre y cuando los contornos se dibujen correctamente	4			1	Is accurate, as long as the contours are drawn correctly
Derivado del volumen, limitado por la frecuencia de adquisición.	325.11	ml/s	10%	0.01	Derived from volume, limited by acquisition frequency.
Derivado	2.51	EDV/s	10%	0.01	- derived
Depende de la frecuencia de la muestra de adquisición, dada para uno típico de 20 fotogramas/latido del corazón, 60 bpm	232.63	ms	25ms	0.01	Depends on the acquisition sample frequency, given for a typical 20 frames/ heartbeat, 60 bpm
Es preciso, siempre y cuando los contornos se dibujen correctamente	16			1	Is accurate, as long as the contours are drawn correctly
Intensidad del tiempo					
Dado que esta es una unidad arbitraria, no hay precisión específica.	780.7	AU		0.1	Since this is an arbitrary unit, there is no specific accuracy.
Dado que esta es una unidad arbitraria, no hay precisión específica.	364.8	AU/s		0.1	Since this is an arbitrary unit, there is no specific accuracy.
Determinado por el intervalo de tiempo entre adquisiciones. Basado en una adquisición normal/2 segundos	14.6	s	2	0.1	Determined by time interval between acquisitions. Based on a typical one acquisitions / 2 seconds

Dado que esta es una unidad arbitraria, no hay precisión específica.	1348.8	AU		0.1	Since this is an arbitrary unit, there is no specific accuracy.
Determinado por el intervalo de tiempo entre adquisiciones. Basado en una adquisición normal/2 segundos	15.7	s	2	0.1	Determined by time interval between acquisitions. Based on a typical one acquisitions / 2 seconds
Dado que esta es una unidad arbitraria, no hay precisión específica.	1,020.1	AU		0.1	Since this is an arbitrary unit, there is no specific accuracy.
Dado que esta es una unidad arbitraria, no hay precisión específica.	930.6	AU		0.1	Since this is an arbitrary unit, there is no specific accuracy.
[2]	58.7	%	2	0.1	[2]
Espesor de pared/movimiento					
[10] - error basado en 2 desviaciones estándar	20.00	mm	5%	0.01	[10] - error based on 2 standard deviations
[10] - error basado en 2 desviaciones estándar	10.00	mm	11%	0.01	[10] - error based on 2 standard deviations
[10] - error basado en 2 desviaciones estándar	100.00	%	16%	0.01	[10] - error based on 2 standard deviations
[10] - error basado en 2 desviaciones estándar	20.00	mm	0.1%	0.01	[10] - error based on 2 standard deviations
[10] - error basado en 2 desviaciones estándar	10.00	mm	0.1%	0.01	[10] - error based on 2 standard deviations
[10] - error basado en 2 desviaciones estándar	100.00	%	0.1%	0.01	[10] - error based on 2 standard deviations

Volúmenes de eje largo/movimiento de pared					
Normal para la aproximación de volumen de eje largo	110.00	ml	8%	0.01	Typical for long axis volume approximation
Normal para la aproximación de volumen de eje largo	50.00	ml	8%	0.01	Typical for long axis volume approximation
Sin embargo, derivada del volumen, la densidad muscular cardíaca no es constante. [12]	120.00	g	25%	0.01	Derived from volume, however, cardia muscle density is not a constant. [12]
Sin embargo, derivada del volumen, la densidad muscular cardíaca no es constante. [12]	55.00	g	25%	0.01	Derived from volume, however, cardia muscle density is not a constant. [12]
Basado en la precisión del volumen	55.00	%	15%	0.01	Based on volume accuracy
Basado en la precisión del volumen	60.00	ml	12%	0.01	Based on volume accuracy
Basado en cálculos de precisión de ejes cortos	100.00	%	0.1%	0.01	Based on short axis accuracy calculations
Basado en cálculos de precisión de ejes cortos	20.00	mm	0.1%	0.01	Based on short axis accuracy calculations
Basado en cálculos de precisión de eje corto y tamaño de segmento	20.00	mm	0.5%	0.01	Based on short axis accuracy calculations and segment size
Intensidad de señal retardada					
[5], combinado con precisión genérica [1]	39.81	ml	5%	0.01	[5], combined with generic accuracy [1]
[5], combinado con precisión	41.80	g	10%	0.01	[5], combined with generic accuracy [1], and

genérica [1] y [12]					[12]
[5]	34.02	%	5%	0.01	[5]
[5], combinado con precisión genérica [1]	32.90	ml	5%	0.01	[5], combined with generic accuracy [1]
[5], combinado con precisión genérica [1] y [12]	34.54	g	10%	0.01	[5], combined with generic accuracy [1], and [12]
T2*					
Tiempo de relajación	43.6	ms	5%	0.1	[9]
Tasa de relajación	22.9	Hz	5%	0.1	Es el inverso del tiempo de relajación
T1/T1*					
T1* Tiempo de bajada	1620	ms	5%	1	[11]
T1 Tiempo de bajada	1560	ms	5%	1	[11]

Referencias utilizadas en la tabla anterior:

1. Validation Report: MASS LV-Volume and Wall Thickness Quantification, J.J.M. Westenberg, Sep 15, 1999
2. Validation Report: MASS Time-Intensity Analysis, J.J.M. Westenberg, Nov 18, 1999
3. LV-Volume Calculation, MASS 5.0, Validation Report, Eelco van Akker, Jan 8, 2002
4. Time-Intensity Analysis, MASS 5.0, Validation Report, Eelco van Akker, Dec 12, 2001
5. Delayed Signal Intensity validation, Eelco Giele, May 4, 2007
6. Scientific validation report DCE ACD library, Eelco Giele, Dec 30, 2009
7. QMass/QFlow 7.6/5.6 Scientific validation report, Eelco Giele, Oct 1, 2013
8. Scientific validation report: QMassMasskModeSvr.doc, Eelco Giele, Jun 23, 2015
9. Scientific Validation Report T2w Ratio Calculation, E. Giele, Mar 23, 2017
10. Validation Report Wall Thickness / motion / thickening, Eelco van Akker, Dec 13, 2001
11. T1 Measurements update, Eelco Giele, Mar 5, 2015
12. Cardiac left ventricular myocardial tissue density, evaluated by computed tomography and autopsy, Alexandra G. Gheorghe et al., BMC Med Imaging. 2019; 19: 29

Solución de problemas

Agregar resultados a Excel

Para agregar resultados a Excel, se puede usar el formato CSV. Para obtener los resultados en Excel hacer lo siguiente:

- Ir al informe de texto
- Seleccionar el texto o las tablas deseados
- RMB > Seleccionar **Copiar CSV**.
- En Excel > **Pegado especial** > Seleccionar **CSV**.

Cine Grid con orificios

A veces la matriz de imágenes de Cine puede aparecer irregular en el número de imágenes por corte o fase, o hay agujeros donde faltan imágenes. Esto es causado por cortes duplicados en la serie.

- Ir al navegador de archivos
- Comprobar que los duplicados de filtro están seleccionados y pulsar Volver a explorar
- Cargar los datos de nuevo
- Ahora la matriz de imagen debe ser agradable y regular.

No hay resultados del Eje corto

A veces, cuando se tiene un eje corto y una serie de eje largo con la misma descripción de serie, la clasificación y división de estas series es incorrecta. Una de las consecuencias es que no se muestran los resultados del eje corto. Para evitar esto, asegurarse de que las series LA y SA tengan diferentes descripciones de serie.

No hay resultados en el informe combinado T2w-DSI

Los resultados de **Informe combinado T2w-DSI** solo están disponibles cuando el asistente del **Informe combinado T2w-DSI** está abierto. Una vez que el asistente del **Informe combinado T2w-DSI** está abierto, todos los resultados del **Informe combinado T2w-DSI** están disponibles en los resultados y el informe.

Teclas de función

Cuando se trabaje con QMass, se pueden usar las teclas de función del teclado para realizar rápidamente las siguientes tareas.

Pulsar	Para
F1	abrir la ayuda en línea.
F5	iniciar la Herramienta de película y mostrar la sección o fase seleccionada actualmente como una película.
F6	mostrar las propiedades del estudio.
F7	mostrar la ventana del gráfico.
F8	abrir una ventana en la que puede crear gráficos de ojo de buey que muestran varios tipos de resultados de análisis. El esquema de segmentos aplicado en estos ojos de buey es el modelo de segmento AHA 16.
Ctrl+F8	abrir una ventana en la que puede crear gráficos de ojo de buey que muestran varios tipos de resultados de análisis. El esquema de segmentos aplicado en estos ojos de buey es el modelo segmentado por corte.
Ctrl+Mayús+F8	abrir una ventana en la que puede crear gráficos de ojo de buey que muestran varios tipos de resultados de análisis. El esquema de segmentos aplicado en estos ojos de buey es el modelo segmentado por cuerda.
F9	abrir la ventana de informes.
F10	abrir la ventana de puntuación visual del Movimiento de la pared.
Ctrl+F10	abrir la ventana de puntuación visual de Intensidad de señal de tiempo.
Ctrl+Mayús+F10	abrir la ventana de puntuación visual de Intensidad de señal retardada.



Teclas de acceso directo

Las teclas de acceso directo son combinaciones de teclas que se pueden pulsar en el teclado para dar una orden.

Las siguientes teclas de acceso directo son aplicables a todas las vistas.

Acceso directo	Utilizar para
Estudios y archivos de contorno	
Ctrl+O	abrir un navegador de estudio.
Ctrl+F5	actualizar el árbol de directorios del navegador.
Imágenes	
+	acercar.
-	alejar.
Elementos	
Ctrl+D	detectar contornos de forma automática.
Ctrl+Z	deshacer las acciones realizadas.
Ctrl+Y	rehacer las acciones deshechas.
Ctrl+C	copiar todos los elementos de la imagen activa al portapapeles.
Ctrl+V	pegar el elemento activo en la imagen seleccionada.
Ctrl+Mayús+V	pegar todos los elementos a la imagen seleccionada.
Supr	eliminar el elemento seleccionado actualmente.
Ctrl+T	transferir los contornos de la serie de cine de eje corto a la serie DSI.
Ctrl+R	registrar los contornos creados a las otras imágenes de la serie.
F5	abrir el diálogo de la película
F6	abrir el diálogo de parámetros de estudio
F7	abrir el diálogo Gráfico
F8	abrir el diálogo ojo de buey: modelo de 16 segmentos
Ctrl+F8	abrir el diálogo ojo de buey: segmentado por corte
Ctrl+Mayús+F8	abrir el diálogo ojo de buey: sin segmentos.
X	alternar la inclusión o exclusión de imágenes seleccionadas para la detección automática de contornos.

Las siguientes teclas de acceso directo son aplicables a la vista activa.

Acceso directo	Utilizar para
arrastrar con el botón central del ratón	tener una panorámica de la imagen.
presionar W, luego arrastrar	ajustar el ancho de la ventana y el nivel de las imágenes. Por defecto, un movimiento horizontal ajusta el ancho de la ventana, y un movimiento vertical ajusta el nivel de la ventana.  Pulsar la tecla W en el teclado o asegurarse de que  está seleccionado para que el ancho de la ventana y el modo de nivel se activen.
1	restablecer el ancho y el nivel de la ventana a los valores originales.
2	optimizar el ancho y el nivel de la ventana.
hacer clic + mantener pulsado el botón central del ratón o la rueda del ratón	ocultar los contornos y todas las propiedades del paciente y del estudio que se muestran en la vista activa. Soltar el botón central del ratón para mostrar los contornos de nuevo.
Ctrl+arrastrar	mover el contorno activo relativo a la imagen en la vista activa y la vista en miniatura.
Ctrl+Mayús+arrastrar	mover todos los elementos relativos a la imagen en la vista activa y en miniatura.
Ctrl+Mayús+Alt+arrastrar	mover todos los elementos de toda la pila de segmentos en relación con las imágenes de la vista activa y la vista en miniatura.
Mayús+S	remodelar un contorno eliminando pequeñas irregularidades.
Mayús+D	remodelar un contorno eliminando curvas.
Mayús+C	remodelar un contorno eliminando todas las curvas que apuntan hacia adentro.
Mayús+E	remodelar un contorno redetectando el borde, utilizando el contorno existente como modelo.
S	añadir la imagen en la vista activa al informe.
Ctrl+A	aceptar contornos VI endo y VI epi.
espacio	alternar elemento activo
Ctrl+espacio	cambiar el modo de edición activo

RePág	cambiar a la siguiente serie
AvPág	cambiar a la serie anterior
Ctrl+Repág	cambiar al siguiente nivel
Ctrl+AvPág	cambiar al nivel anterior
arriba	cambiar a la siguiente fase de corte
abajo	cambiar a rebanada anterior
izquierda	cambiar a la fase anterior
derecha	cambiar a la siguiente fase
Ctrl+izquierda	traducir el contorno actual a la izquierda
Ctrl+derecha	traducir el contorno actual a la derecha
Ctrl+arriba	traducir el contorno actual hacia arriba
Ctrl+abajo	traducir el contorno actual hacia abajo
Ctrl+Mayús+izquierda	traducir todos los contornos a la izquierda
Ctrl+Mayús+derecha	traducir todos los contornos a la derecha
Ctrl+Mayús+arriba	traducir todos los contornos hacia arriba
Ctrl+Mayús+abajo	traducir todos los contornos hacia abajo
[o]	aumentar o disminuir el tamaño del pincel cuando se utiliza el análisis de modo DSI, T2w o Functional MassK.

Las siguientes teclas de acceso directo son aplicables a la ventana de la película.

Acceso directo	Utilizar para
RePág	desplazarse hasta la siguiente serie en la ventana Película.
AvPág	desplazarse hasta la serie anterior en la ventana Película.
P	reproducir la película
S	detener la película
arriba	mostrar la siguiente escena
abajo	mostrar la escena anterior
derecha	mostrar la siguiente fase
izquierda	mostrar la fase anterior
F2	alternar entre el corte y el bucle de fase

Referencias

1. Alfakih K, Plein S, Thiele H, Jones T, Ridgway JP, Sivananthan MU. Normal human left and right ventricular dimensions for MRI as assessed by turbo gradient echo and steady-state free precession imaging sequences. *Journal of magnetic resonance imaging : JMRI* [Internet]. 2003 Mar [cited 2013 Mar 21];17(3):323–9. Available from: <http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed/12594722>.
2. Gibbons, Raymond J., et al. "The quantification of infarct size." *Journal of the American College of Cardiology* 44.8 (2004): 1533-1542.
3. Amano Y, Tachi M, Tani H, Mizuno K, Kobayashi Y, Kumita S. T2-weighted cardiac magnetic resonance imaging of edema in myocardial diseases. *TheScientificWorldJournal* [Internet]. 2012 Jan;2012:194069.
4. Abdel-Aty H, Zagrosek A, Schulz-Menger J, Taylor AJ, Messroghli D, Kumar A, et al. Delayed enhancement and T2-weighted cardiovascular magnetic resonance imaging differentiate acute from chronic myocardial infarction. *Circulation* [Internet]. 2004 May 25;109(20):2411–6.
5. Subha V. Raman, MD, MSEE*, Orlando P. Simonetti, PhD*, Marshall W. Winner III, MD*, Jennifer A. Dickerson, MD*, Xin He, PhD†, Ernest L. Mazzaferri Jr, MD*, and Giuseppe Ambrosio, MD P, *Ohio. Myocardium at Risk and Predicts Worse Outcome in Patients With Non–ST-Segment Elevation Acute Coronary Syndrome. *JACC*. 2013;55(22):2480–8.
6. G. S. Tilak, L. Y. Hsu, R. F. Hoyt Jr., A. E. Arai, and A. H. Aletras. In vivo T2-weighted magnetic resonance imaging can accurately determine the ischemic area at risk for 2 day-old nonreperfused myocardial infarction *Investigative Radiology*, vol. 43, no. 1, pp. 7–15, 2008.
7. Friedrich MG, Abdel-Aty H, Taylor A, Schulz-Menger J, Messroghli D, Dietz R. The salvaged area at risk in reperfused acute myocardial infarction as visualized by cardiovascular magnetic resonance. *J. Am. Coll. Cardiol.* 2008 Apr 22;51(16):1581–7.
8. Hoey ETD, Gulati GS, Ganeshan A, Watkin RW, Simpson H, Sharma S. Cardiovascular MRI for assessment of infectious and inflammatory conditions of the heart. *AJR. Am. J. Roentgenol.* 2011 Jul;197(1):103–12.
9. Abdel-Aty H, Zagrosek A, Schulz-Menger J, Taylor AJ, Messroghli D, Kumar A, et al. Delayed enhancement and T2-weighted cardiovascular magnetic resonance imaging differentiate acute from chronic myocardial infarction. *Circulation* [Internet]. 2004 May 25;109(20):2411–6.
10. Eitel I, Desch S, Fuernau G, Hildebrand L, Gutberlet M, Schuler G, et al. Prognostic significance and determinants of myocardial salvage assessed by cardiovascular magnetic resonance in acute reperfused myocardial infarction. *J. Am. Coll. Cardiol.* ; 2010 Jun 1 ;55(22):2470–9